

Table S1. Non- β -lactamase antimicrobial resistance genes present in the isolates

Isolate ID	β -lactamase genes	Fluoroquinolone resistance markers	Aminoglycoside resistance markers	Co-trimethoxazole resistance markers	Tetracycline resistance markers	Other resistance markers
EC-QU-1	<i>bla</i> _{TEM-1B}	<i>gyrA</i>	<i>rmtB</i>	<i>sul1</i> , <i>dfrA17</i> , <i>dfrA12</i>	<i>tetA</i>	<i>mph(A)</i>
EBH-QU-2	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{CMY-42}	<i>qnrS</i> , <i>aac(6')-Ib-cr</i>	<i>aac(6')-Ib-cr</i>	<i>sul1</i> , <i>dfrA14</i>		
KPN-QU-3	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{TEM-1A} , <i>bla</i> _{OXA-9} , <i>bla</i> _{CMY-42} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>oqx</i> <i>B</i> , <i>qnrS1</i> , <i>aac(6')-Ib-cr</i>	<i>aac(6')-Ib-cr</i>	<i>sul1</i> , <i>dfrA14</i>		
EBH-QU-4	<i>bla</i> _{OXA-1}	<i>qnrB1</i> , <i>aac(6')Ib-cr</i>	<i>rmtC</i> , <i>aac(3)-Iia</i> , <i>aac(6')-Ib-cr</i>	<i>dfrA14</i>		
EC-QU-5	<i>bla</i> _{CTX-M-99} , <i>bla</i> _{CTX-M-122} , <i>bla</i> _{CTX-M-196} , <i>bla</i> _{CTX-M-125} , <i>bla</i> _{CTX-M-14} , <i>bla</i> _{CTX-M-65} , <i>bla</i> _{TEM-1B}	<i>gyrA</i>	<i>aac(3)-Iid</i>	<i>sul1</i>		<i>mph(A)</i>
EC-QU-6	<i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{CMY-42}	<i>gyrA</i> , <i>parC</i>	<i>rmtB</i> , <i>aadA5</i> , <i>aadA2</i>	<i>sul1</i> , <i>dfrA17</i> , <i>dfrA12</i>	<i>tetA</i>	<i>mph(A)</i>
EC-QU-7	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{TEM-1A} , <i>bla</i> _{OXA-9} , <i>bla</i> _{CMY-42} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>gyrA</i> , <i>aac(6')-Ib-cr</i> , <i>qnrS1</i>	<i>aac(6)-Ib</i> , <i>aph(3)-VI</i> , <i>aac(6')-Ib-cr</i>			
KPN-QU-9	<i>bla</i> _{SHV-98} , <i>bla</i> _{SHV-26} , <i>bla</i> _{SHV78} , <i>bla</i> _{ACT-7}	<i>acrR</i>		<i>sul1</i> , <i>dfrA25</i>	<i>tetA</i>	<i>fosA</i>
EC-QU-10	<i>bla</i> _{DHA-1}	<i>gyrA</i> , <i>parC</i> , <i>mdf(A)</i>				
KPN-QU-11	<i>bla</i> _{SHV-27}	<i>acrR</i>				
EC-QU-14	<i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{OXA-1} , <i>bla</i> _{ACT-16}	<i>aac(6')-Ib-cr</i>	<i>rmtB</i> , <i>aac(3)-Iid</i> , <i>aac(6')-Ib-cr</i>	<i>sul1</i> , <i>dfrA17</i> , <i>dfrA12</i>		<i>mph(A)</i>
KPN-QU-15	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{SHV-75} , <i>bla</i> _{SHV-33} , <i>bla</i> _{SHV-51} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>acrR</i> , <i>oqx</i> <i>A</i> , <i>oqx</i> <i>B</i>	<i>aph(3)-Ib</i> , <i>aph(6)-id</i>	<i>sul2</i> , <i>dfrA14</i>		<i>fosA</i>
EC-QU-16	<i>bla</i> _{OXA-1}	<i>gyrA</i> , <i>aac(6')-Ib-cr</i>	<i>aac(6')-Ib3</i> . <i>aac(6')-Ib-cr</i>	<i>sul1</i> , <i>dfrA17</i>		<i>mph(A)</i>

KPN-QU-17	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{SHV-106} , <i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>aac</i> (6')-Ib-cr, <i>oqx</i> A, <i>oqx</i> B	<i>aac</i> (6')-Ib-cr, <i>aac</i> (6')-Ib- Hangzhou, <i>rmt</i> F	<i>sul</i> 2		
EC-QU-19	<i>bla</i> _{TEM-1B}	<i>gyr</i> A, <i>aac</i> (6')-Ib-cr	<i>aac</i> (6')-Ib-cr, <i>rmt</i> B	<i>sul</i> 1, <i>dfr</i> A12	<i>tet</i> B	
KPN-QU-20	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{SHV-11} , <i>bla</i> _{SHV-67} , <i>bla</i> _{OXA-1} , <i>bla</i> _{OXA-9} , <i>bla</i> _{DHA-1}	<i>gyr</i> A, <i>aac</i> (6')-Ib-cr, <i>oqx</i> A, <i>oqx</i> B, <i>qnr</i> S1, <i>acr</i> R	<i>aac</i> (6')-Ib-cr, <i>rmt</i> B, <i>aad</i> A1, <i>aad</i> A2	<i>sul</i> 1, <i>dfr</i> A12	<i>tet</i> B	<i>fos</i> A
EC-QU-21	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{TEM-207} , <i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{TEM-230} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>qnr</i> S1	<i>rmt</i> B	<i>sul</i> 1		
KPN-QU-22	<i>bla</i> _{SHV-98} , <i>bla</i> _{SHV-31} , <i>bla</i> _{SHV-86} , <i>bla</i> _{SHV-13} , <i>bla</i> _{SHV-129} , <i>bla</i> _{SHV-12} , <i>bla</i> _{SHV-61}	<i>oqx</i> A, <i>oqx</i> B, <i>qnr</i> S1	<i>aad</i> A1	<i>sul</i> 1, <i>dfr</i> A1	<i>tet</i> A	
EC-QU-23	<i>bla</i> _{CTX-M-27} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>mdf</i> (A)	<i>aph</i> (6)-Id, <i>aph</i> (3)-Ib, <i>aad</i> A5		<i>tet</i> A	<i>mph</i> (A)
EC-QU-25	<i>bla</i> _{CTX-M-14b} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>emr</i> R, <i>emr</i> B, <i>mdt</i> H, <i>mdt</i> F				
EC-QU-26	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{CMY-2} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>qnr</i> S1		<i>sul</i> 1, <i>sul</i> 2, <i>dfr</i> A17		
EC-QU-27	<i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>acr</i> B, <i>mdt</i> H, <i>evg</i> A, <i>emr</i> R				
EC-QU-28	<i>bla</i> _{ampC}	<i>gyr</i> A		<i>sul</i> 1		<i>mph</i> (A)
EC-QU-29	<i>bla</i> _{CTX-M-27} , <i>bla</i> _{CMY-42}	<i>mdt</i> F, <i>mdt</i> H, <i>mar</i> A, <i>emr</i> A, <i>emr</i> B, <i>evg</i> A	<i>aph</i> (3'')-Ib, <i>aph</i> (6)-Id	<i>sul</i> 1, <i>sul</i> 2, <i>dfr</i> A17	<i>tet</i> A	
EC-QU-30	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>qnr</i> S		<i>sul</i> 1, <i>dfr</i> A17	<i>tet</i> A	<i>mph</i> (A)
EC-QU-31	<i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>qnr</i> S1	<i>aph</i> (3'')-Ib, <i>aad</i> A5	<i>sul</i> 1, <i>sul</i> 2		<i>mph</i> (A)
EC-QU-33	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{TEM-1} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>qnr</i> S1	<i>aad</i> A1	<i>sul</i> 2, <i>dfr</i> A14		
EC-QU-35	<i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{CMY-42} , <i>bla</i> _{ampC}		<i>aph</i> (3'')-Ib, <i>aph</i> (6)-Id	<i>sul</i> 2, <i>dfr</i> A14	<i>tet</i> A	

KPN-QU-36	<i>bla</i> _{CTX-M-15} , <i>bla</i> _{SHV-106} , <i>bla</i> _{TEM-1B} , <i>bla</i> _{OXA-1} , <i>bla</i> _{CMY-6}	<i>oqx</i> <i>A</i> , <i>oqx</i> <i>B</i> , <i>aac</i> (6')- <i>Ib-cr</i> , <i>acrR</i>	<i>rmtC</i> , <i>aph</i> (3')- <i>Ia</i> , <i>aac</i> (6')- <i>Ib-</i> <i>cr</i> , <i>aph</i> (6)- <i>Id</i>	<i>sul1</i>	
KPN-QU-37	<i>bla</i> _{SHV-33} , <i>bla</i> _{ampC}	<i>acrR</i> , <i>soqx</i> <i>A</i> , <i>oqx</i> <i>B</i> , <i>qnrS1</i> , <i>qnrB4</i>	<i>aph</i> (3'')- <i>Ib</i> , <i>aph</i> (6)- <i>Id</i>	<i>sul1</i>	<i>fosA</i>

Table S2. Sample assembly accessions.

Sample ID	NCBI Strain	BioProject	BioSample	Accession	Assembly accession
EC-1	QU-1	PRJNA690895	SAMN17315638	JAFBLD000000000	GCA_016809875.1
ENH-2	QU-2	PRJNA690895	SAMN17320769	JAFBKQ000000000	GCA_016810215.1
KPN-3	QU-3	PRJNA690895	SAMN17320971	JAFBKT000000000	GCA_016810295.1
ENC-4	4	PRJNA690895	SAMN17267145	JAFBKT000000000	GCA_016745405.1
EC-5	QU-5	PRJNA690895	SAMN17315802	JAFBKB000000000	GCA_016809855.1
EC-6	QU-6	PRJNA690895	SAMN17320896	JAFBKR000000000	GCA_016810195.1
EC-7	QU-7	PRJNA690895	SAMN17315989	JAFBKC000000000	GCA_016809895.1
KPN-9	QU-9	PRJNA690895	SAMN17320972	JAFBKU000000000	GCA_016810255.1
EC-10	QU-10	PRJNA690895	SAMN17320938	JAFBKS000000000	GCA_016810235.1
KPN-11	QU-11	PRJNA690895	SAMN17348687	JAFBKV000000000	GCA_016810895.1
EC-14	QU-14	PRJNA690895	SAMN17316100	JAFBKD000000000	GCA_016809905.1
KPN-15	QU-15	PRJNA690895	SAMN17348775	JAFBKW000000000	GCA_016810915.1
EC-16	QU-16	PRJNA690895	SAMN17316153	JAFBKE000000000	GCA_016809935.1
KPN-17	QU-17	PRJNA690895	SAMN17348776	JAFBKX000000000	GCA_016810935.1
EC-19	QU-19	PRJNA690895	SAMN17319936	JAFBKF000000000	GCA_016809955.1
KPN-20	QU-20	PRJNA690895	SAMN17348778	JAFBKY000000000	GCA_016810965.1
EC-21	QU-21	PRJNA690895	SAMN17319937	JAFBKG000000000	GCA_016809975.1
KPN-22	QU-22	PRJNA690895	SAMN17348779	JAFBKZ000000000	GCA_016810995.1
EC-23	QU-23	PRJNA690895	SAMN17320764	JAFBKP000000000	GCA_016810175.1
EC-25	QU-25	PRJNA690895	SAMN17319964	JAFBKH000000000	GCA_016809995.1
EC-26	QU-26	PRJNA690895	SAMN17320328	JAFBKI000000000	GCA_016810035.1

EC-27	QU-27	PRJNA690895	SAMN17320627	JAFBKJ000000000	GCA_016810015.1
EC-28	QU-28	PRJNA690895	SAMN17320630	JAFBLC000000000	GCA_016810055.1
EC-29	QU-29	PRJNA690895	SAMN17320631	JAFBKK000000000	GCA_016810075.1
EC-30	QU-30	PRJNA690895	SAMN17320633	JAFBKL000000000	GCA_016810095.1
EC-31	QU-31	PRJNA690895	SAMN17320761	JAFBKM000000000	GCA_016810115.1
EC-33	QU-33	PRJNA690895	SAMN17320762	JAFBKN000000000	GCA_016810135.1
EC-35	QU-35	PRJNA690895	SAMN17320763	JAFBKO000000000	GCA_016810155.1
KPN-36	QU-36	PRJNA690895	SAMN17348780	JAFBLA000000000	GCA_016810955.1
KPN-37	QU-37	PRJNA690895	SAMN17348781	JAFBLB000000000	GCA_016811015.1
